

# 表达 lac 和 glk 基因的蓝藻的异养生长

余利红<sup>1,2</sup> 郭厚良<sup>2</sup> 徐旭东<sup>1</sup>

(1. 中国科学院水生生物研究所, 武汉 430072; 2. 武汉大学生命科学学院, 武汉 430072)

**摘要:** 将来自 *Brucella abortus* 的葡萄糖激酶基因 *glk* 和大肠杆菌乳糖操纵子基因 *lacZYA* 装置于蓝藻 *glnA* 启动子下游, 以广宿主质粒导入 3 种蓝藻。基因的表达通过  $\beta$ -半乳糖苷酶和葡萄糖激酶活性测定得到确证。基因工程藻株均获得了利用乳糖异养生长的能力。集胞藻 6803 转基因株可在光照加 DCMU 的条件下利用乳糖生长, 而鱼腥藻转基因株依赖乳糖可在完全黑暗条件下生长, 并可在黑暗或加 DCMU 条件下诱导产生异形胞。

**关键词:** *lac*; *glk*; 蓝藻; 异养生长

**中图分类号:** Q949.22      **文献标识码:** A      **文章编号:** 1000-3207(2002)04-0363-07

蓝藻是一类光合放氧的原核生物, 除利用  $\text{CO}_2$  作为碳源外, 约有一半种类还能吸收利用碳水化合物<sup>[1]</sup>。其中少数种可在完全黑暗条件下依靠碳水化合物异养生长, 但多数种仍需要光能或光照激活。如念珠藻 (*Nostoc* sp.) ATCC 29133 利用蔗糖生长不需任何光照, 而集胞藻 (*Synechocystis* sp.) PCC 6803 每天需要接受一个短时光照 ( $\sim 5\text{min}$ ) 才能够依靠葡萄糖在黑暗中生长<sup>[2]</sup>。蓝藻能否利用碳水化合物主要被归因于是否具有活跃的转运能力<sup>[1]</sup>。如集胞藻 6803 吸收利用葡萄糖依赖于一个单基因编码的运载体蛋白<sup>[3]</sup>。

具有异养生活能力和遗传操作系统的蓝藻在光合作用、光合膜的发生等研究中起重要作用。依靠碳水化合物, 这些蓝藻在光合基因被插入失活或定点突变时仍然能够生长。八十年代以来, 集胞藻 (*Synechocystis* sp.) PCC 6803 业已发展成为研究光合系统的模式种。但是, 该种至今不能以转座子进行随机插入诱变, 其异养生长不能完全脱离光照, 对于寻找未知的光合作用相关基因有不足之处。可在完全黑暗条件下异养生长的念珠藻 ATCC 29133 转座子诱变效率较低<sup>[4]</sup>。相反, 鱼腥藻 (*Anabaena* sp.) PCC 7120 具有高效的基因转移和转座子诱变系统<sup>[5,6]</sup>, 但在黑暗或加 DCMU 的条件下不能异养生长或生长十分缓慢。如果能用遗传改造的方法使之获得异养生长能力, 将可能建立光合作用相关研究的新模式种。

乳糖操纵子的三个结构基因 *LacZ*、*Y*、*A* 各决定了一种酶, 分别为  $\beta$ -半乳糖苷酶,  $\beta$ -半

**收稿日期:** 2001-04-28; **修订日期:** 2001-07-05

**基金项目:** 中国科学院“百人计划”; 生物领域创新青年科学家小组资助项目

**作者简介:** 余利红(1975—), 女, 河南省焦作市人; 现在中国科学院水生生物所工作。该文 pRL 系列质粒由徐旭东在密西根州立大学 C.P. Wolk 教授实验室构建

**通讯作者:** 徐旭东, Email: xux@ihb.ac.cn

(C)1994-2023 China Academic Journal Electronic Publishing House. All rights reserved. <http://>

乳糖苷透过酶,  $\beta$ -半乳糖苷转乙酰酶。 $\beta$ -半乳糖苷酶是一种裂解  $\beta$ -半乳糖苷键的专一性酶, 能将乳糖水解成葡萄糖和半乳糖; $\beta$ -半乳糖苷透过酶使  $\beta$ -半乳糖苷能透过细胞膜进入细胞内; $\beta$ -半乳糖苷转乙酰酶在乳糖代谢中作用不明<sup>[7]</sup>。可以设想, 如果在蓝藻表达大肠杆菌 lac 基因, 使之吸收乳糖分子并在细胞内转化为葡萄糖和半乳糖; 同时, 表达葡萄糖激酶基因 (glk), 将葡萄糖转化为 6-P-葡萄糖, 进入三羧酸循环, 为细胞所利用。如此, 蓝藻应获得利用乳糖生长的能力。基于这一思路, 分别在单细胞和丝状固氮蓝藻表达 lac 基因, 使之获得了利用乳糖异养生长的能力, 并观察到两类蓝藻异养生长方式的差异。

## 1 材料和方法

**1.1 藻种、菌株和培养** 集胞藻 PCC6803 由北京大学赵进东教授提供, 来源于美国宾夕法尼亚州立大学 Don Bryant 教授。鱼腥藻 (*Anabaena* sp.) PCC 7120 和鱼腥藻 (*Anabaena* sp.) FACHB 709 由中国科学院水生生物所藻种库提供。*E. coli* DH10B、*E. coli* HB101 (pRL443+pRL623) 来源于美国密西根州立大学 Peter Wolk 教授。蓝藻在温度为 28±1°C, 光强 50—100  $\mu\text{E}/\text{m}^2/\text{s}$  的条件下于 BG11 液体培养基中静置培养。测试蓝藻光激活异养生长时用 5  $\mu\text{E}/\text{m}^2/\text{s}$  的弱光, 每天光照 15 min; 或加 5  $\mu\text{mol/L}$  DCMU 在 50—100  $\mu\text{E}/\text{m}^2/\text{s}$  光强下生长。测试完全黑暗异养生长时用铝铂纸严密包裹培养瓶。葡萄糖, 或乳糖, 或其他待试糖源在培养基中的终浓度为 5  $\text{m mol/L}$ 。所用藻株和转基因藻经 BG11 加葡萄糖或乳糖、LB 培养基等检查无细菌污染。

**1.2 质粒和载体构建** 携 *glnA* 启动子的质粒 pAM658<sup>[8]</sup> 由德克萨斯 A&M 大学 J. Golden 教授提供; 携 *Brucella abortus* 葡萄糖激酶 (*glk*) 基因<sup>[9]</sup> 的 pRE103 由俄克拉荷马州立大学 R. C. Essenberg 教授提供; 质粒 pRL59HE<sup>[10]</sup>、pRL598<sup>[11]</sup> 和 pBR322::Tn5 lac 来自于密西根州立大学 Peter Wolk 教授。其中, pBR322::Tn 5 lac 由 Tn5 lac<sup>[12]</sup> 转座插入 pBR322 四环素抗性基因 BamHI 和 Sall 位点之间获得。大肠杆菌的转化和 DNA 重组依常规方法进行。限制性内切酶, 连接酶等购自 New England Biolabs。

**1.3 接合转移和转基因藻的筛选** 按文献<sup>[5]</sup>进行, 略有修改。通过接合转移, 将驱动质粒 pRL443、辅助质粒 pRL623 和载体质粒 pRL2224 引入同一大肠杆菌菌株 DH10B。用 *E. coli* DH10B (pRL443+pRL623+pRL2224) 与蓝藻进行接合转移。其中 pRL623 对于鱼腥藻基因转移是必需的, 而对于集胞藻 6803 并非需要, 但也无妨碍。筛选接合子的 BG11 平板中加 10  $\mu\text{g}/\text{mL}$  红霉素, 而在液体 BG11 中加 5  $\mu\text{g}/\text{mL}$  红霉素。

**1.4 斑点杂交** DNA 探针标记、点尼龙膜、变性、中和、固定以及预杂交、杂交、漂洗、用 NBT/BCIP 底物显色等均按 Boehringer Mannheim 公司试剂盒提供的方法进行。

**1.5 酶活性测定**  $\beta$ -半乳糖苷酶活性的测定参照文献<sup>[13]</sup>进行, 修改后用于蓝藻。收集 4 mL 生长对数中期的蓝藻, 2 mL 用于测细胞浓度, 另外 2 mL 离心后用于酶活性的测定。将收集的蓝藻重悬于 1 mL 缓冲液 Z 中, 加入 50  $\mu\text{L}$  0.1% SDS 和 50  $\mu\text{L}$  氯仿, 充分混合, 加入 200  $\mu\text{L}$  4 mg/ml ONPG, 30°C 温育 20 min, 加入 500  $\mu\text{L}$  1 mol/L 碳酸钠终止反应, 离心取上清, 用分光光度计测 420 nm 处的吸光度。按公式  $\text{SA}_{\beta\text{gal}} = 1000 \times \text{OD}_{420\text{nm}} / [\text{反应时间}(\text{min}) \times \text{藻悬液体积}(\text{mL}) \times \text{OD}_{600\text{nm}}]$  计算酶活性, 以 Miller 单位计。葡萄糖激酶活性的测定参照文献<sup>[14]</sup>进行, 以 nmol/min/mg 蛋白计。

## 2 结果

### 2.1 质粒的构建

以  $\text{BamH}\text{I} + \text{Hind}\text{III}$  从 pRE103 切下并纯化含葡萄糖激酶(*glk*)基因的片段, 克隆于 pUC 19  $\text{BamH}\text{I}$ - $\text{Hind}\text{III}$  位点, 得到 pRL2208。将含 *glnA* 启动子的  $\text{XbaI}$ - $\text{PstI}$  片段(来自 pAM 658)克隆于 pRL2208 *glk* 基因上游  $\text{XbaI}$ - $\text{PstI}$  位点, 得到 pRL2209。以  $\text{PstI}$  从 pRL598 切下含  $\text{Cm}^r\text{Em}^r$  基因片段插入 pRL2209 *glnA* 启动子上游  $\text{PstI}$  位点, 得到 pRL2210。该质粒中  $\text{Cm}^r\text{Em}^r\text{P}_{glnA}-glk$  结构位于一个  $\text{SphI}$  片段中。

pBR322::*Tn5 lac* 携有无启动子的 *trp-lac* 融合结构, 其中含 *lacZYA* 基因, 下游是一个 *npt*( $\text{Km}^r$ )基因。以  $\text{BamH}\text{I}$ - $\text{SalI}$  切下 *lacZYA-npt* 片段, 克隆入广宿主质粒 pRL59HE  $\text{BamH}\text{I}$ - $\text{SalI}$  位点, 得到 pRL2218。以  $\text{BamH}\text{I}$  酶切的 pRL2218 再以 T4 DNA 聚合酶补平, 与  $\text{SphI}$  酶切并同样补平的  $\text{Cm}^r\text{Em}^r\text{P}_{glnA}-glk$  片段(自 pRL2210)连接, 得到 pRL2224。该质粒有卡那霉素、氨苄青霉素、氯霉素和红霉素抗性基因, 在蓝藻细胞中用红霉素抗性作为选择标记;  $\text{P}_{glnA}$ 、*glk* 和 *lacZYA* 同向, 形成  $\text{P}_{glnA}-glk-lacZYA$  转录融合结构。将 pRL2210 中  $\text{Cm}^r\text{Em}^r\text{P}_{glnA}-glk$  片段以  $\text{Hind}\text{III}$ - $\text{SacI}$  切下、克隆于 pRL59HE, 得到不含 *lacZYA* 的 pRL2211。图 1 示质粒 pRL2224 和 pRL2211 相关部分结构。

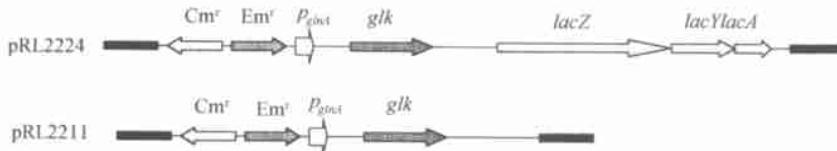


图 1 质粒 pRL2211 和 pRL2224 的相关结构示意图

Fig. 1 Maps of relevant structure of the plasmids pRL2211 and pRL2224

### 2.2 *lac* 和 *glk* 基因导入蓝藻

将外源基因导入集胞藻 PCC6803, 一般采用转化的方法<sup>[15]</sup>; 导入鱼腥藻 PCC7120 和鱼腥藻 FACHB 709<sup>[16]</sup>则使用接合转移法。由于 pRL2211 和 pRL2224 质粒较大, 对 3 藻种均采用接合转移导入 *lac* 基因。在含  $10 \mu\text{g}/\text{mL}$  红霉素的固体培养基上筛选 10 d 左右, 观察到转 pRL2211 和转 pRL2224 的平板上长出密集的藻落; 而野生藻在红霉素的选择压力下已完全变黄、死亡。将抗性藻落转到含  $5 \mu\text{g}/\text{mL}$  红霉素的 BG11 液体培养基中继续生长, 并连续转接到新的培养液中。在这种条件下, 大肠杆菌最终饥饿致死并被消除。

从加红霉素培养基中生长的转基因藻提取总 DNA, 转化大肠杆菌细胞, 筛选获得卡那霉素抗性转化子。而野生藻的总 DNA 样品转化时未能得到抗性菌落。从这些大肠杆菌转化子提取的质粒与原有的质粒经  $\text{EcoRI} + \text{EcoRV}$  限制酶切比较, 带谱完全一致(图 2)。

用地高辛标记的 pRL2211 或 pRL2224 与野生藻和转基因藻的 DNA 样品进行斑点杂交, 结果显示, 野生藻(1)为阴性, 而转基因藻(2)和细菌质粒对照(3)呈阳性(图 3)。以上结果证明 pRL2211 和 pRL2224 确已导入蓝藻, 并且质粒酶切图谱未有变化。



图 2 质粒 DNA 经 EcoRI+EcoRV 酶切后的凝胶电泳

Fig. 2 Electrophoretogram of EcoRI+EcoRV double restricted plasmid DNA

1. pRL2211; 2. pRL2211 (从集胞藻 PCC6803 转回大肠杆菌); 3. pRL2211 (从鱼腥藻 PCC7120 转回大肠杆菌); 4. pRL2211 (从鱼腥藻 FACHB709 转回大肠杆菌); 5.  $\lambda$ DNA + Hind III; 6. pRL2224; 7. pRL2224 (从集胞藻 PCC6803 转回大肠杆菌); 8. pRL2224; (从鱼腥藻 PCC7120 转回大肠杆菌); 9. pRL2224 (从鱼腥藻 FACHB709 转回大肠杆菌)

### 2.3 $\beta$ -半乳糖苷酶和葡萄糖激酶活性的测定

分别收集 1 mL 的野生藻、转 pRL2211 和 pRL2224 的蓝藻, 测定  $\beta$ -半乳糖苷酶活性, 结果如表 1。表中所列数值为 3 次独立测试平均结果。

表 1 蓝藻  $\beta$ -半乳糖苷酶活性 (Miller 单位)  
Tab. 1  $\beta$ -galactosidase activity in cyanobacteria (Miller units)

藻株 Strains	质粒 Plasmid	野生型 Wild type	pRL2211	pRL2224
<i>Synechocystis</i> PCC6803		0.33	0.18	55.76
<i>Anabaena</i> PCC7120		0.60	0.37	50.89
<i>Anabaena</i> FACHB709		0.65	0.31	62.07

结果表明, 野生藻和转空载体的藻中  $\beta$ -半乳糖苷酶活性很低, 在 1 Miller 单位以下; 而在转乳糖操纵子基因的藻中酶活性很高, 在 50 Miller 单位以上, 差别明显。另外, 检测鱼腥藻 PCC7120 葡萄糖激酶活性(两次独立测试平均结果)发现, 转 pRL2224 后酶活为 0.94 nmol/min/mg 蛋白, 比野生藻(0.45 nmol/min/mg 蛋白)高出一倍; 而转 pRL2211 后酶的活性是 1.47 nmol/min/mg 蛋白, 约为野生藻的三倍以上。

### 2.4 蓝藻的异养生长

分别将野生藻接种到加有葡萄糖、乳糖、蔗糖、半乳糖、果糖、麦芽糖的液体培养基中加 DCMU 照光培养。约两周后, 观察到集胞藻 6803 仅在加葡萄糖的培养基中生长, 而鱼

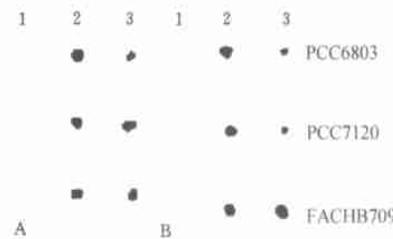


图 3 斑点杂交

Fig. 3 Dot blotting hybridization

A. 探针为地高辛标记的 pRL2211; DIG-labelled pRL2211 as the probe.

1. 野生藻总 DNA Total DNA of wild type cyanobacteria; 2. 含 pRL2211 蓝藻总 DNA Total DNA of cyanobacteria harboring pRL2211; 3. 质粒 pRL2211 The plasmid pRL2211.

B. 探针为地高辛标记的 pRL2224; DIG-labelled pRL2224 as the probe.

1. 野生藻总 DNA Total DNA of wild type cyanobacteria; 2. 含 pRL2224 蓝藻总 DNA Total DNA of cyanobacteria harboring pRL2224; 3. 质粒 pRL2224 The plasmid pRL2224.

腥藻 7120 和鱼腥藻 709 未观察到生长。约六周后,可见鱼腥藻 7120 在含蔗糖的培养液中开始有缓慢生长。转 pRL2224 的集胞藻 6803 可在含乳糖和 DCMU 的培养基中光照生长,但在完全黑暗条件下不能生长。含 pRL2211 的集胞藻 6803 与野生藻相同,不能利用乳糖生长。转 pRL2224 的鱼腥藻 7120 和鱼腥藻 709 也获得利用乳糖异养生长能力,而且可在完全黑暗时依靠乳糖生长。以上结果列于表 2。其中“++”表示在一周期内可见显著生长,“+”表示两周内有显著生长,“+”表示三周内有显著生长,“+/-”表示在四周时可观察到生长,“-”表示六周时仍无生长。鱼腥藻利用乳糖的能力还可从异形胞分化的诱导得到印证。野生种鱼腥藻 7120 的异形胞分化需要光合作用支持,加 DCMU 或在黑暗条件下缺氮诱导均不能形成异形胞。但是含 pRL2224 的鱼腥藻 7120 在补充乳糖时缺氮诱导,无论加 DCMU 或置于黑暗中皆产生成熟异形胞。

表 2 蓝藻的异养生长

Tab. 2 Heterotrophic growth of cyanobacteria

生长条件 Growth condition	藻种 Strains	Synechocystis			Anabaena			Anabaena		
		PCC6803			PCC7120			FACHB709		
		WT	pRL2211	pRL2224	WT	pRL2211	pRL2224	WT	pRL2211	pRL2224
光照加 DCMU/黑暗		-	-	-	-	-	-	-	-	-
illumination+DCMU/dark										
光照加乳糖加 DCMU		-	-	+++	-	-	++	-	-	++
illumination+lactose+DCMU										
黑暗加乳糖		-	-	-	-	-	+	-	-	+/-
Dark+lactose										

注:WT 野生型 Wild type;“+”生长 Growth;“-”不生长 No growth.

### 3 讨论

通过在蓝藻表达 *glk* 和 *lac* 基因使之具有依赖乳糖异养生长能力,这是利用基因工程方法使蓝藻获得稳定异养生长性状的首例报道。Zhang 等曾在 *Synechococcus* PCC 7942 表达葡萄糖转运蛋白基因获得异养生长能力,但转基因株不稳定,有结果显示该基因的表达对宿主有毒。含 pRL2224 的集胞藻 PCC6803 既可利用葡萄糖也可利用乳糖进行异养生长,但仍需要光照激活;而含 pRL2224 的鱼腥藻则能够在完全避光的情况下异养生长。丝状固氮蓝藻天然的异养生长种类,如念珠藻 ATCC29133、多变鱼腥藻 ATCC29413 等均不需要光激活。这一现象反映了丝状固氮种类在代谢类型上的某种共同之处。鱼腥藻 PCC7120 具有成熟、高效的基因转移、转座子诱变、报告基因监测表达等遗传操作系统,多年来被用作异形胞发育研究模型,近期已完成全基因组序列分析。通过表达 *glk* 和 *lac* 基因,该种获得了在黑暗或加 DCMU 条件下异养生活能力,有可能将其研究价值向光系统和光合膜的分子遗传学方面扩展。

考虑到鱼腥藻 PCC7120 细胞中葡萄糖激酶活力较低,在表达 *lacZYA* 基因的同时增加了 *glk* 基因。选用鱼腥藻的 *glnA* 启动子,证明在单细胞和丝状固氮蓝藻 *glk-lacZYA* 的表达都是有效的。由于 *glk* 基因 3' 端的 SphI 位点位于终止密码子上游两个密码子处,以 SphI 切下 *Cm'Em'-P<sub>glnA</sub>-glk* 片段(自 pRL2210)构建 pRL2224 时; *glk* 基因丢失 3' 端两个氨基酸;而该基因在 pRL2211 中未损失任何密码子。这一 3' 端的微小区别可能导致含

pRL2224 和 pRL2211 鱼腥藻葡萄糖激酶活性的差异。虽然如此,由 pRL2224 质粒表达的葡萄糖激酶已经满足了异养生长的需要。除葡萄糖外,乳糖进入蓝藻细胞后被  $\beta$ -半乳糖苷酶作用还产生半乳糖分子。葡萄糖经葡萄糖激酶的作用进入代谢循环,而半乳糖的归趋尚不清楚。一种可能是,在己糖激酶的作用下被细胞利用;另一种可能是,由于己糖激酶活力较低,大多半乳糖分子在细胞内形成某种程度的积累。

## 参考文献:

- [1] Carr N G, Whittton B A. The Biology of Cyanobacteria [M]. Oxford London, Edinburgh, Boston, Melbourne: Blackwell Scientific Publications. 1982. 47—85
- [2] Anderson S L, McIntosh L. Light-activated heterotrophic growth of the cyanobacterium *Synechocystis* sp. Strain PCC 6803: a blue-light-requiring process [J]. *J Bacteriol*, 1991, **173**, 2761—2767
- [3] Zhang C G, Jeanjean R, Joset F. Obligate phototrophy in cyanobacteria: more than a lack of sugar transport [J]. *FEMS Microbiol Lett*, 1998, **161**, 285—292
- [4] Cohen M F, Wallis J G, Campbell E L, et al. Transposon mutagenesis of *Nostoc* sp. Strain ATCC 29133, a cyanobacterium with multiple cellular differentiation alternatives [J]. *Microbiology*, 1994, **140**(Pt 12), 7324—7329
- [5] Elhai J, Wolk C P. Conjugal transfer of DNA to cyanobacteria [J]. *Methods Enzymol*, 1988, **167**, 747—754
- [6] Wolk C P, Cai Y, Panoff J-M. Use of transposon with luciferase as a reporter to identify environmentally responsive genes in a cyanobacterium [J]. *Proc Natl Acad Sci USA*, 1991, **88**, 5355—5359
- [7] Lewin B. Genes VI [M]. Oxford New York, Tokyo: Oxford University Press. 1997
- [8] Ramasubramanian T S, Wei T-F, Golden J W. Two *Anabaena* sp. Strain PCC 7120 DNA-binding factors interact with vegetative cell- and heterocyst-specific genes [J]. *J. Bacteriol*, 1994, **176**, 1214—1223
- [9] Essenberg R C. Cloning and characterization of the glucokinase gene of *Brucella abortus* 19 and identification of the three other genes [J]. *J Bacteriol*, 1995, **177**, 6297—6300
- [10] Khudyakov I, Wolk C P. Evidence that the *hanA* gene coding for HU protein is essential for heterocyst differentiation in, and cyanophage A-4(L) sensitivity of, *Anabaena* sp. Strain PCC 7120 [J]. *J. Bacteriol*, 1996, **178**, 3572—3577
- [11] Black T A, Wolk C P. Analysis of a Het-mutation in *Anabaena* sp. Strain PCC 7120 implicates a secondary metabolite in the regulation of heterocyst spacing [J]. *J Bacteriol*, 1994, **176**, 2282—2292
- [12] Kroos L, Kaiser D. Construction of Tn5 *lac*, a transposon that fuses *lacZ* expression to exogenous promoters, and its introduction into *Myxococcus xanthus* [J]. *Proc Natl Acad Sci USA*, 1984, **81**, 5816—5820
- [13] Miller J H. Experiments in Molecular Genetics [M]. New York: Cold Spring Harbor Laboratory Press. 1972
- [14] Pearce J, Carr N G. The incorporation and metabolism of glucose by *Anabaena variabilis* [J]. *J Gen Microbiol*, 1969, **54**, 451—462
- [15] Williams J G. Construction of specific mutations in photosystem II photosynthetic reaction center by genetic engineering methods in *Synechocystis* 6803 [J]. *Methods Enzymol*, 1988, **167**, 766—778
- [16] Xu X, Yan G, Kong R, et al. Analysis of expression of the binary toxin genes from *Bacillus sphaericus* in *Anabaena* and the potential in mosquito control [J]. *Curr Microbiol*, 2000, **41**, 352—356

## HETEROTROPHIC GROWTH OF CYANOBACTERIA EXPRESSING LAC AND GLK GENES

YU Li-hong<sup>1,2</sup>, GUO Hou-liang<sup>2</sup> and XU Xu-dong<sup>1\*</sup>

(1. Institute of Hydrobiology, The Chinese Academy of Sciences, Wuhan 430072; 2. College of Life Sciences, Wuhan University, Wuhan 430072)

**Abstract:** The glucose kinase gene *glk* from *Brucella abortus* and *lacZYA* genes from *E. coli* were positioned downstream of a cyanobacterial *glnA* promoter, and introduced into three cyanobacterial species in a broad-host-range plasmid. Expression of the exogenous genes was confirmed by assay of  $\beta$ -galactosidase and glucokinase activity. The genetically-engineered cyanobacterial strains acquired capability of heterotrophic growth on lactose. *Synechocystis* sp. PCC 6803 (pRL2224) can grow on lactose in the light with DCMU, while *Anabaena* strains harboring pRL2224 are capable of heterotrophic growth in complete darkness and produce heterocysts upon induction in darkness or in the light with DCMU.

**Key words:** *lac*; *glk*; Cyanobacteria; Heterotrophic growth